

Libro de Resúmenes

Tercer Congreso Argentino de Malacología (3 CAM)



**3º CONGRESO
ARGENTINO DE
MALACOLOGÍA**

4 al 6 de diciembre de 2019

Ciudad de Bahía Blanca, Argentina

Esta reunión es organizada por la Asociación Argentina de Malacología (ASAM) en el ámbito de la Universidad Nacional del Sur y tiene como principal objetivo promover el intercambio de conocimiento científico sobre los moluscos dentro de un marco regional y nacional.

Libro de Resúmenes del Tercer Congreso Argentino de Malacología / Sandra Gordillo ... [et al.]. - 1a ed . - Puerto Madryn : Asociación Argentina de Malacología, 2019.
Libro digital, PDF

Archivo Digital: descarga y online
ISBN 978-987-47791-2-0

1. Moluscos. 2. Ecología. 3. Genética. I. Gordillo, Sandra.
CDD 594.1

Compilador: Diego Urteaga

ISBN 978-987-47791-2-0



VARIABILIDAD MOLECULAR Y ESTRUCTURA SECUNDARIA DEL GEN 16S-ARNr EN POBLACIONES MISIONERAS DE OMALONYX D'ORBIGNY, 1837 (SUCCINEIDAE)

L.B. Guzmán^{1,2}; E.N. Serniotti^{1,2}; A.A. Beltramo^{1,2}; A. Rumi²; J.G. Peso¹; R.E. Vogler^{1,2}

1. Grupo de Investigación en Genética de Moluscos, Instituto de Biología Subtropical, CONICET – Universidad Nacional de Misiones, Posadas, Rivadavia 2370 (N3300LDX). 2. División Zoología Invertebrados, Facultad de Ciencias Naturales y Museo, Universidad Nacional de La Plata, CONICET, La Plata, Paseo del Bosque s/n (B1900FWA).

E-mail de contacto: leilaguzman95@gmail.com; leilaguzman@fceqyn.unam.edu.ar

El género Omalonyx d'Orbigny, 1837 se encuentra ampliamente distribuido en el centro y sur de América e islas de Antillas en el Caribe y hasta el presente comprende unas seis especies reconocidas. Los miembros de este género se encuentran generalmente asociados a zonas de vegetación litoral de los cuerpos de agua o a sus macrófitas flotantes. En Misiones se registran unas 137 especies de moluscos continentales, entre las que recientemente se incluyeron poblaciones de Omalonyx unguis, siendo la única especie del género reportada para la provincia hasta la actualidad. El uso de marcadores moleculares como herramientas de identificación taxonómica y descripción de la variabilidad genética se encuentra ampliamente difundida en gasterópodos, debido a que presume ser un método sencillo, reproducible y de precisión. La principal atención en los estudios genéticos de Omalonyx se ha dedicado a la delimitación de especies, así como a la caracterización de poblaciones. Actualmente se encuentran disponibles en GenBank 158 secuencias para Omalonyx de los marcadores *cox1*, 18S-ARNr, *cyt b*, ITS2 y 16S-ARNr, de las cuales solo unas pocas secuencias de fines taxonómicos están disponibles para la Argentina. Dado los reiterados eventos de inserción/delección que sufren los genes ribosomales, el análisis de la estructura secundaria resulta de particular interés, ya que, si bien las regiones ribosomales usualmente presentan altas tasas de variación, el alineamiento y comparación de sus secuencias es posible a través de un análisis estructural. Con el fin de ampliar el conocimiento generado bajo un enfoque genético sobre especímenes misioneros de Omalonyx unguis, en este trabajo se presentan siete nuevas secuencias del gen 16S-ARNr, cuya variación fue mapeada sobre el modelo estructural del dominio V disponible para la familia. La recolección de especímenes se realizó sobre la margen de los arroyos Garupá y Zaimán. La extracción de ADN se realizó mediante un protocolo CTAB clásico y la amplificación por PCR se realizó utilizando cebadores universales. Los productos de PCR fueron purificados y secuenciados en ambos sentidos, resultando en un tamaño de 255-258 pb. La molécula se plegó manualmente mediante comparación directa con el modelo de referencia para succínidos. Esta última, permitió valorar las restricciones estructurales y funcionales de la variación genética, donde los bucles de las moléculas acumulan usualmente la mayor variación y los tallos representan secuencias conservadas. Fuente de financiamiento: FCEQyN-UNaM (Proyectos 16Q634 & 16Q648-PI); FCNyM-UNLP (Proyecto N870); Premio estímulo a la Investigación Malacológica J. J. Parodiz 2018.

Modalidad: póster.