



LIVRO DE RESUMOS
XXVII ENCONTRO BRASILEIRO DE
MALACOLOGIA
XXVII EBRAM
"Um Planeta, Um Oceano"

Edição Virtual
Porto Alegre, UFCSPA
4 a 8 de outubro de 2021



**XXVII Encontro Brasileiro de Malacologia
V Simpósio Latino Americano de Jovens Taxonomistas**

**LIVRO DE RESUMOS
do
XXVII EBRAM**

04 a 08 de outubro de 2021

Edição Virtual
<https://www.even3.com.br/xxviiembram2021/>

Sociedade Brasileira de Malacologia - SBMa

Encontro Brasileiro de Malacologia

Livro de Resumos do XXVII Encontro Brasileiro de Malacologia e V Simpósio Latino-Americano de Jovens Taxonomistas. Edição Virtual, 04 a 08 de outubro de 2021. Organização: Sociedade Brasileira de Malacologia. Editoração: Cristiane Xerez Barroso, Eliane Pintor de Arruda, Isabela Cristina Brito Gonçalves, Gisele Orlandi Introíni, Lenita de Freitas Tallarico e Luis Fernando Marcelino Braga.

Rio de Janeiro: Sociedade Brasileira de Malacologia.

iiiiv + 231 p. (livro digital, 6.104 KB).

ISBN: 978-65-87912-01-1.

1.Malacologia-Brasil-Congressos. 2. Moluscos-Brasil

Congressos. I-Sociedade Brasileira de Malacologia. II- Título.

CDD 590 CDU 594

Editora: Sociedade Brasileira de Malacologia-SBMA
Universidade do Estado do Rio de Janeiro - UERJ
Instituto de Biologia Roberto Alcântara Gomes
Departamento de Zoologia, Laboratório de Malacologia
Pavilhão Haroldo Lisboa da Cunha, sala 525/2
Rua São Francisco Xavier, 524
Maracanã, Rio de Janeiro, RJ. CEP: 20550-900 Tel: (21) 23340626
www.sbmMalacologia.com.br
sbmalacologia@yahoo.com.br
ISBN: © Sociedade Brasileira de Malacologia, 2021

O conteúdo dos resumos aqui apresentados é de responsabilidade de seus autores. Os resumos contidos neste livro podem ser citados e reproduzidos, desde que devidamente referenciados.



Expansión del rango de distribución de *Meghimatium pictum* (Gastropoda: Philomycidae) en el nordeste argentino

Enzo Noel Serniotti^{1,*}; Leila Belén Guzmán¹; Roberto Eugenio Vogler¹; Juana Guadalupe Peso¹; Alejandra Rumi²; Ariel Aníbal Beltramino¹

¹Grupo de Investigación en Genética de Moluscos (GIGeMol), Instituto de Biología Subtropical (IBS), CONICET – UNaM, Posadas, Argentina; ²División Zoología Invertebrados, Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP, CONICET, Buenos Aires, Argentina; *serniottienzo@gmail.com

Meghimatium pictum (Stoliczka, 1873) es una especie de babosa terrestre nativa de China. Actualmente, su rango de distribución se ha ampliado globalmente, alcanzando varios países del continente asiático y algunos del continente sudamericano. En 2011, la especie fue reportada por primera vez para Sudamérica en Brasil, en los estados de São Paulo, Paraná, Santa Catarina y Rio Grande do Sul, y dos años más tarde en la Argentina, en el Salto Tabay, provincia de Misiones. En estos reportes iniciales se realizó una primera caracterización genética de la especie con base en secuencias parciales del gen mitocondrial *citocromo c oxidasa subunidad I* (COI), encontrando un único haplotipo compartido entre ambos países. Adicionalmente, en 2021 se informó la presencia de una especie del género *Meghimatium* van Hasselt, 1824 en Venezuela, aunque sin precisarse su identidad específica. En cuanto a los impactos que genera, *M. pictum* ha sido reportada en Brasil como hospedadora intermediaria del parásito *Angiostrongylus costaricensis* Morera & Céspedes, 1971, y como plaga en cultivos de vid y plantaciones de frutilla, ocasionando pérdidas económicas. El objetivo de este estudio fue actualizar el rango de distribución de *M. pictum* en la Argentina, y en particular en la provincia de Misiones, así como explorar el *background* genético de las poblaciones geográficas registradas. Las babosas fueron recolectadas manualmente a partir de 22 ambientes naturales, rurales y urbanos, en el marco de prospecciones malacológicas realizadas en la provincia de Misiones, Argentina. Cada sitio fue geoposicionado utilizando GPS Garmin eTrex Legend y los mapas fueron confeccionados utilizando el software ArcGIS. El ADN fue extraído de una pequeña porción de pie muscular de individuos pertenecientes a 5 localidades mediante un protocolo CTAB estandarizado para moluscos terrestres. La amplificación por PCR del gen COI fue desarrollada mediante cebadores universales y protocolos estandarizados. Luego de la purificación, ambas hebras de ADN fueron secuenciadas y editadas, resultando en fragmentos de 655 pb. El estudio de distribución de *M. pictum* en la Argentina evidenció una expansión de su rango de distribución en la provincia de Misiones, ocupándola de norte a sur y de este a oeste. A nivel genético fue encontrado un único haplotipo en las poblaciones analizadas, el cual coincide a la vez con aquel identificado en estudios anteriores para la Argentina y Brasil. Si bien existen hipótesis acerca de los vectores y vías de introducción y dispersión de esta especie invasora en estos países, más estudios, que comprendan más poblaciones y un mayor número de individuos, son necesarios para esclarecer los patrones de dispersión de *M. pictum* en la región.

Palavras-chave: Babosas terrestres; COI; Especies exóticas; Distribución.

Agência financiadora: FCEQyN-UNaM (Proyecto 16Q1227-PI), Agencia Nacional de Promoción de la Investigación, el Desarrollo Tecnológico y la Innovación (PICT 2017-3961, PICT 2019-3294).